



Исследовательский
Центр

ООО «Фрактал Био»
190020, Россия,
г. Санкт-Петербург, ул. Бумажная, 17
тел.: +7 (812)495-96-95
e-mail: fbiogenetika@mail.ru
<http://vetlaba.ru>

Генетический тест на HCM Мейн-кунов (гипертрофическая кардиомиопатия Мейн-кунов)

Герявенко Олеся Николаевна			Номер исследования: 16102018-Ger4
Питомник Respectcoon	Дата рождения 14.11.2017	Родословная (RU) SC LO 21263	Дата выдачи результата: 18.10.2018
Порода Мейн-кун	Кличка Talisman SharmMuar of Respectcoon, ns25	Пол ♂	

Результат

N/N

Расшифровка результатов:

N/N – Гомозигота по аллели нормального типа (обе копии гена *MYBPC3* не содержат мутации A31P).

N/HCMmcs – Гетерозигота по аллели мутантного типа (одна из копий гена *MYBPC3* содержит мутацию A31P).

HCMmcs/HCMmcs – Гомозигота по аллели мутантного типа (обе копии гена *MYBPC3* содержат мутацию A31P).

Данный тест позволяет выявить только мутацию A31P, ассоциированную с HCM Мейн-кунов или их межпородных гибридов, как описано Meurs *et al.*, 2005.

Наличие или отсутствие мутации A31P не свидетельствует о наличии или отсутствии заболевания, а лишь характеризует степень риска его развития.

И.о. Зав. лабораторией
молекулярной диагностики
Д.Н. Уткина





Исследовательский
Центр

«FBio» Co. Ltd.
190020, Russia,
Saint Petersburg, Bumazhnayastr., 17
phone: +7 (812)495-96-95
e-mail: fbigenetika@mail.ru
<http://vetlaba.ru>

Maine coon HCM (hypertrophic cardiomyopathy) test

Geriavenko Olesya			Test number: 16102018-Ger4
Cattery Respectcoon	DOB 19.11.2017	Pedigree (RU) SC LO 21263	Report date: 18.10.2018
Breed Maine Coon	Cat Talisman SharmMuar of Respectcoon, ns25	Sex ♂	

Result

N/N

Result Codes:

N/N – Cat is homozygous for a normal type (i.e. carry two normal copies of the *MYBPC3* gene).

N/HCMmc – Cat is heterozygous for the mutant allele (one copy of the *MYBPC3* gene carry the A31P mutation).

HCMmc/HCMmc – Cat is homozygous for the A31P mutation (two copies of the *MYBPC3* gene carry the A31P mutation).

This test only detects the A31P mutation associated with HCM in Maine Coon cats and outcrosses as described by Meurs *et al.*, 2005.

The presence or absence of the mutation A31P is not indicate the presence or absence of the disease, but only describes the risk of its development.

Acting Chief of molecular
diagnostics laboratory
Utkina N. Daria

